

ПРИМЕР БЛАНКА РЕЗУЛЬТАТОВ

ЭНТЕРОФЛОР® ДЕТИ

Результат исследования

ФИО:

ПОЛ:

ДАТА РОЖДЕНИЯ:

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

ВРАЧ:

СОСТОЯНИЕ МИКРОБИОТЫ КИШЕЧНИКА

Доля нормальной микробиоты значительно снижена – **0.0%**. Бифидобактерии отсутствуют. Таксономическое разнообразие нормальной микробиоты значительно снижено – **3**. Представители *Lactobacillaceae* отсутствуют. Представители таксона *Bacteroidetes* отсутствуют. Доля условно-патогенной микробиоты значительно увеличена – **100.0%**. Порядок *Enterobacteriales* представлен *E.coli*. Количество дрожжевых грибов повышено – **7.0 Lg (ГЭ/г)***.

ВАЖНО: интерпретация результатов должна производиться строго лечащим врачом
Исследование Энтерофлор Дети не заменяет исследование на острые кишечные инфекции

ПОКАЗАТЕЛЬ	РЕЗУЛЬТАТ	РЕФЕРЕНТНЫЙ ИНТЕРВАЛ	ЕДИНИЦА ИЗМЕРЕНИЯ
Общее количество бактерий (ОБМ)	9.2*	> 6.0	Lg (ГЭ/г)
Нормальная микробиота			
доля	-	≥ 80	%
разнообразии, количество таксонов	3	≥ 10	шт
<i>Bifidobacterium spp.</i>			
общее количество	-	> 6.0	Lg (ГЭ/г)
метаболически активные виды, доля	-	≥ 10	%
метаболически активные «детские» виды, доля**		Не оценивается в данном возрасте	
метаболически активные «детские» виды, разнообразие		Не оценивается в данном возрасте	
<i>Lactobacillaceae</i>, количество	-	> 0.0	Lg (ГЭ/г)
<i>Bacteroidota (Bacteroidetes)</i>, наличие	НЕ ВЫЯВЛЕНО	выявлено	
<i>Vacillota/Bacteroidota (Firmicutes/Bacteroidetes)</i>, соотношение		Не оценивается	
Дрожжевые грибы, количество	7.0*	> 6.5	Lg (ГЭ/г)
Условно-патогенная микробиота (патобионты), доля	100.0	< 20	%
Маркеры патогенности и резистентности, наличие			
патогенные представители <i>Enterobacteriales</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Clostridioides difficile</i>	-	0.0	Lg (ГЭ/г)
<i>tcdA, tcdB</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Staphylococcus aureus</i>	4.2*	< 4.5	Lg (ГЭ/г)
<i>mecA</i>	не выявлено	не выявлено	
<i>Streptococcus agalactiae c srr2</i>		Не оценивается в данном возрасте	
<i>Candida albicans</i>	не выявлено	не выявлено	

Дата выполнения исследования: 25.10.2023

Исследование выполнил _____ (ФИО)

* приведены значения Lg X – означает 10^X

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий

Страница 1 из 2

Описание бланка
исследования
Энтерофлор® Дети



ФИО:

ИДЕНТИФИКАТОР КОНТЕЙНЕРА:

ДАТА ВЗЯТИЯ БИОМАТЕРИАЛА:

ПОКАЗАТЕЛЬ	АБСОЛЮТНЫЙ, Lg (ГЭ/г кала)*		ОТНОСИТЕЛЬНЫЙ, %	
	Значение*	Референтный интервал	Значение	Референтный интервал
Общее количество бактерий	9.2	> 6.0	-	-
НОРМАЛЬНАЯ МИКРОБИОТА	4.9	8.0 - 10.2	-	80 - 100
Actinomycetota (Actinobacteria)				
Bifidobacterium spp	-	6.0 - 9.0	-	2.7 - 34.1
Метаболически активные виды бифидобактерий, доля	-	-	↘	≥ 10
Метаболически активные «детские» виды**	-	4.4 - 6.5	-	> 0
Bifidobacterium longum subsp. infantis	-	-	-	-
Bifidobacterium longum subsp. longum	-	-	-	-
Bifidobacterium bifidum	-	-	-	-
Bifidobacterium breve	-	-	-	-
Метаболически активные «взрослые» виды**	-	6.7 - 7.6	↘	53 - 98
Bifidobacterium adolescentis	-	-	-	-
Bifidobacterium catenulatum ssp	-	-	-	-
Bifidobacterium animalis subsp.lactis	-	-	-	-
Bifidobacterium dentium	-	-	-	-
Coriobacteria	4.0	6.5 - 8.8	< 0.1	0.0 - 12.0
Bacillota (Firmicutes)				
Clostridium leptum gr	-	6.5 - 10.0	-	24.3 - 76.0
Dialister+Allisonella+Megasphaera+Veillonella	4.5	6.0 - 8.7	< 0.1	0.0 - 5.0
Faecalibacterium prausnitzii	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 15.0
Lachnospiraceae	-	7.5 - 10.0	↘	7.8 - 52.7
Lactobacillaceae	-	0.0 - 8.8	-	0.0 - 5.0
Streptococcus spp	4.6	5.5 - 8.6	< 0.1	0.0 - 7.0
Lactococcus lactis	-	0.0 - 8.0	-	0.0 - 2.0
Bacteroidota (Bacteroidetes)				
Alistipes spp	-	6.0 - 8.2	-	0.0 - 10.0
Bacteroides spp	-	7.0 - 8.9	-	0.0 - 35.0
Butyrimonas spp	-	5.0 - 7.0	-	0.0 - 1.0
Parabacteroides spp	-	5.7 - 8.3	-	0.0 - 2.0
Prevotella spp	-	0.0 - 9.0	-	0.0 - 18.1
Другие бактерии				
Akkermansia muciniphila	-	0.0 - 8.5	-	0.0 - 4.0
Desulfovibrio spp	-	0.0 - 7.0	-	0.0 - 1.0
Methanobrevibacter spp	-	0.0 - 8.0	-	0.0 - 5.0
Разнообразие, количество таксонов:	3	≥ 10		
Соотношение Bacillota/Bacteroidota:	-	≥ 1.5		
УСЛОВНО-ПАТОГЕННАЯ МИКРОБИОТА (ПАТОБИОНТЫ)	8.4	5.9 - 8.5	100.0	0 - 20
Clostridium difficile gr	2.0	4.7 - 7.0	< 0.1	0.0 - 1.0
Clostridium perfringens gr	-	0.0 - 6.0	-	0.0 - 1.0
Enterobacterales	8.4	6.0 - 8.5	100.0	0.0 - 20.0
E.coli	8.1	5.5 - 8.2	50.1	0.0 - 10.0
Enterococcus spp	-	0.0 - 7.0	-	0.0 - 1.0
Erysipelotrichaceae	-	5.7 - 7.5	-	0.0 - 6.0
Fusobacteriaceae	-	0.0 - 6.5	-	0.0 - 1.0
Peptoniphilaceae	-	0.0 - 6.0	-	0.0 - 1.0
Pseudomonas spp	-	0.0 - 5.5	-	0.0 - 0.1
Staphylococcus spp	3.5	0.0 - 5.5	< 0.1	0.0 - 0.1
МАРКЕРЫ ПАТОГЕННОСТИ И РЕЗИСТЕНТНОСТИ				
Clostridioides difficile	-	0.0	-	0.0
cdtA cdtB	-	-	-	-
Staphylococcus aureus	4.2	0.0 - 4.5	< 0.1	0.0 - 0.1
mecA	-	-	-	-
Streptococcus agalactiae	-	0.0 - 4.4	-	0.0 - 0.1
srr2	-	-	-	-
ДРОЖЖЕВЫЕ ГРИБЫ				
Candida spp	7.0	0.0 - 6.5	↗	-
C.albicans	-	0.0	-	-

* приведены значения Lg X – означает 10^X

** указано значение доли от суммы метаболически активных бифидобактерий